

Time of export: 29.03.2024. 11:23:44

Repository: repozitorij.pmf.unizg.hr

Number of records on this URL: 27

Records exported: 27

Title	URL	Authors	Host item title
Mutacijski potpisi ultraljubičastog zračenja u melanomu uvee i melanomu kože čovjeka		Maračić, Barbara	
Detection of somatic mutations and mutational signatures in pancreatic cancer using RNA-sequencing data		Pantlik, Jan	
Identification of gene signature of human inflammatory breast cancer using machine learning methods		Loverečić, Karlo	
Funkcionalna analiza metagenoma bioreaktora s djelomičnom reakcijom nitritacije i anaerobne oksidacije amonijaka		Zvjerković, Dora	
Određivanje ishodišne stanice tumora na temelju raspodjele različitih tipova mutacija		Bakšić, Ivan	
Evolucijska, biokemijska i biološka karakterizacija proteina DRG1 iz sružve <i>Eunapius subterraneus</i>		Beljan, Silvestar	
Mitohondrijski genom pacijenata oboljelih od bolesti COVID-19 u Hrvatskoj		Mamić, Antonija	
Raznolikost, evolucijski odnosi i uloga proteina SSB, DnaB i DnaG u bakterijama roda 'Candidatus Phytoplasma'		Brkić, Doris	
Pohrana digitalnih podataka u DNA molekuli		Rajković, Klara	
VANSTANIČNA DNA (cfDNA) KAO BIOMARKER ZA RANU DIJAGNOSTIKU TUMORA		Brlić-Kukoleča, Simona	
A genome-wide association study of maternal genetic effects in autism spectrum disorder		Vučinić, Kim	
A genome-wide association study of maternal genetic effects in autism spectrum disorder		Vučinić, Kim	
Poništavanje hepatoprotективnog učinka D-met-enkefalina komplementarnim peptidom kao model za proučavanje peptidnih interakcija		Matković, Katarina	
Genotipizacija rotavirusa A iz divljih životinja s područja Republike Hrvatske		Čolić, Daniel	
De novo sastavljanje transkriptoma vrste <i>Procambarus virginalis</i> Lyko, 2017 i ekspresija gena u odgovoru na patogen <i>Aphanomyces astaci</i> Shikora, 1906		Boštjančić, Ljudevit Luka	

Identification and characterization of transposable elements in sponges (Porifera)	Kuzman, Maja	
Računalna analiza dugih nekodirajućih RNA ogulinske špiljske spužvice (<i>Eunapius subterraneus</i>)	Bodulić, Kristian	
Odabir najinformativnijih genomskih regija za određivanje ishodišnih stanica melanoma metodama strojnog učenja	Volarić, Marin	
Računalna analiza retrotranspozona MT kod sojeva miševa C57BL/6J i PWK/PHJ	Štancl, Paula	
Ekspresija i kolokalizacija razvojnog markera Nkx2.1 s proteinima parvalbumin i nNOS u subtalamičkoj jezgri miša i štakora	Medenica, Tila	
Računalna klasifikacija uzoraka mikrobnih zajednica probavnog trakta kod ljudi sa zdravom i bolesnom jetrom	Pavlinek, Eva	
Računalno određivanje podtipova mišjih tumora dojke	Ivanković, Ivna	
Inventarizacija raznolikosti lišajeva Hrvatske	Mehmedović, Azra	
Dinamika dobitka i gubitka gena nakon genske duplikacije	Mrnjavac, Andrea	
Računalna optimizacija sljedova genomske DNA spužve <i>Eunapius subterraneus</i> sekvenciranim tehnologijom nanopora	Jelić Matošević, Zoe	
Sekvenciranje tehnologijom nanopora i sklapanje genoma ogulinske špiljske spužvice <i>Eunapius subterraneus</i>	Glavaš, Dunja	
coRdon: an R package for codon usage analysis and prediction of gene expressivity	Elek, Anamaria	