

Vrijeme izvoza: 30.03.2025. 00:50:19

Repozitorij: repozitorij.pmf.unizg.hr

Ukupan broj zapisa na URL-u: 20

Broj izvezenih zapisa: 20

Naslov	URL	Autori	Naslov izvornika
Vežanje iona prijelaznih metala u ljudskoj dipeptidil-peptidazi III		Matić, Antonia	
Bakterijske i virusne makrodomene – struktura, funkcija i terapijski potencijal		Hloušek-Kasun, Andrea	
Uloga dipeptidil-peptidaze III u oksidacijskom stresu		Matić, Sara	
Biokemijska karakterizacija adenilosukcinat-sintetaze bakterije <i>Helicobacter pylori</i> eksperimentalnim i računalnim metodama		Bubić, Ante	
Interdisciplinarno istraživanje mutanata R620C, R623W i R623L ljudske dipeptidil-peptidaze III		Hanić, Maja	
Eksperimentalno i računalno istraživanje novih konjugata gvanidina s različitim fluoroforima kao liganada humane dipeptidil-peptidaze III		Čehić, Mirsada	
On the nature of structural fluctuations in complex liquids		Požar, Martina	
Računalne simulacije kompleksa ljudske dipeptidil-peptidaze III s angiotenzinom-(1-7) i njegovim stabilnim analogom		Čavka, Ivana	
Molekulska modeliranje bakterijskih dipeptidil-peptidaza III		Tomin, Marko	
Conservation of the conformational dynamics and ligand binding within M49 enzyme family		Kazazić, S.; Karačić, Z.; Sabljčić, I.; Agić, Dejan; Tomin, M.; Abramović, M.; Dadlez, M.; Tomić, A.; Tomić, S.	
Izbor reprezentativnog skupa membranskih proteina poznate strukture: razvoj poboljšanih algoritama uporabom koncepta nasumičnog modela		Batista, Jadranko	
Računalna analiza interakcija kvercetina i epigalokatehin-3-galata te njihovih metabolita sa serumskim albuminima		Matić, Sara	
Simulacije molekulske dinamike kompleksa ljudske dipeptidil-peptidaze III s inhibitorima		Tir, Nora	

Kvantno-kemijsko istraživanje reakcija pregrađivanja odabranih psihofarmaka		Šakić, Davor	
Primjena računalnih pristupa različitih stupnjeva složenosti u svrhu razumijevanja strukture, dinamike i aktivnosti ljudske dipeptidil-peptidaze III		Tomić, Antonija	
Redukcija ribonukleotida u prebiotičkim uvjetima		Dragičević, Ivan	
Eksperimentalno utemeljeno modeliranje interakcija nukleinskih kiselina i malih molekula		Grabar Branilović, Marina	
Proučavanje dioksigenaza ovisnih o željezu računalnim metodama		Brkić, Hrvoje	
Poboljšani algoritam za izbor i provjeru kvalitete najboljih multivarijacijskih modela odnosa strukture i svojstava molekula		Papeš Šokčević, Lidija	
Algoritmi za utvrđivanje fleksibilnosti proteina na temelju konformacije i fizikalnih svojstava proteina		Šikić, Krešimir	