

Vrijeme izvoza: 16.04.2024. 23:14:34

Repozitorij: repozitorij.pmf.unizg.hr

Ukupan broj zapisa na URL-u: 28

Broj izvezenih zapisa: 28

Naslov	URL	Autori	Naslov izvornika
EFFECTS OF SIMULTANEOUS MANIPULATION OF DNA AND HISTONES ON THE EXPRESSION OF GENES INVOLVED IN EPITHELIAL-MESENCHYMAL TRANSITION USING CRISPR/dCas9 SYSTEM		Foglar, Nika	
Mutacijski potpisi ultraljubičastog zračenja u melanomu uvee i melanomu kože čovjeka		Maračić, Barbara	
Detection of somatic mutations and mutational signatures in pancreatic cancer using RNA-sequencing data		Pantlik, Jan	
Identification of gene signature of human inflammatory breast cancer using machine learning methods		Lovrečić, Karlo	
Funkcionalna analiza metagenoma bioreaktora s djelomičnom reakcijom nitritacije i anaerobne oksidacije amonijaka		Zvjerković, Dora	
Određivanje ishodišne stanice tumora na temelju raspodjele različitih tipova mutacija		Bakšić, Ivan	
Evolucijska, biokemijska i biološka karakterizacija proteina DRG1 iz spužve Eunapius subterraneus		Beljan, Silvestar	
Mitohondrijski genom pacijenata oboljelih od bolesti COVID-19 u Hrvatskoj		Mamić, Antonija	
Raznolikost, evolucijski odnosi i uloga proteina SSB, DnaB i DnaG u bakterijama roda 'Candidatus Phytoplasma'		Brkić, Doris	
Pohrana digitalnih podataka u DNA molekuli		Rajković, Klara	
VANSTANIČNA DNA (cfDNA) KAO BIOMARKER ZA RANU DIJAGNOSTIKU TUMORA		Brlić-Kukoleča, Simona	
A genome-wide association study of maternal genetic effects in autism spectrum disorder		Vučinić, Kim	
A genome-wide association study of maternal genetic effects in autism spectrum disorder		Vučinić, Kim	
Poništavanje hepatoprotektivnog učinka D-met-enkefalina komplementarnim peptidom kao model za proučavanje peptidnih interakcija		Matković, Katarina	
Genotipizacija rotavirusa A iz divljih životinja s područja Republike Hrvatske		Čolić, Daniel	

De novo sastavljanje transkriptoma vrste <i>Procambarus virginalis</i> Lyko, 2017 i ekspresija gena u odgovoru na patogen <i>Aphanomyces astaci</i> Shikora, 1906		Boštjančič, Ljudevit Luka	
Identification and characterization of transposable elements in sponges (Porifera)		Kuzman, Maja	
Računalna analiza dugih nekodirajućih RNA ogulinske špiljske spužvice (<i>Eunapius subterraneus</i>)		Bodulić, Kristian	
Odabir najinformativnijih genomskih regija za određivanje ishodišnih stanica melanoma metodama strojnog učenja		Volarić, Marin	
Računalna analiza retrotranspozona MT kod sojeva miševa C57BL/6J i PWK/PHJ		Štancl, Paula	
Ekspresija i kolokalizacija razvojnog markera Nkx2.1 s proteinima parvalbumin i nNOS u subtalamičkoj jezgri miša i štakora		Medenica, Tila	
Računalna klasifikacija uzoraka mikrobnih zajednica probavnog trakta kod ljudi sa zdravom i bolesnom jetrom		Pavlinek, Eva	
Računalno određivanje podtipova mišjih tumora dojke		Ivanković, Ivna	
Inventarizacija raznolikosti lišajeva Hrvatske		Mehmedović, Azra	
Dinamika dobitka i gubitka gena nakon genske duplikacije		Mrnjavac, Andrea	
Računalna optimizacija sljedova genomske DNA spužve <i>Eunapius subterraneus</i> sekvenciranih tehnologijom nanopora		Jelić Matošević, Zoe	
Sekvenciranje tehnologijom nanopora i sklapanje genoma ogulinske špiljske spužvice <i>Eunapius subterraneus</i>		Glavaš, Dunja	
coRdon: an R package for codon usage analysis and prediction of gene expressivity		Elek, Anamaria	